

## **Curso práctico de análisis de polimorfismos genéticos**

**Lugar:** Parque Científico de Madrid. Unidad de Genómica. Sede Cantoblanco (UAM).

**Fechas:** 28, 29 y 30 de abril de 2010

**Horario:** Primer día: 15:30 a 18:30 h. Segundo y tercer día: 9:30 a 18:30 h.

**Duración:** 18 horas

**Precio:** 970 €

**Coordinador del curso:** Ricardo Ramos Ruiz

**Profesores:** Dra. M<sup>a</sup> Jesús Bullido Gómez-Heras y Dr. Ricardo Ramos Ruiz.  
Parque Científico de Madrid. Unidad de Genómica. Sede Cantoblanco (UAM).

### **PROGRAMA**

#### **PRIMER DIA**

Introducción: Variabilidad genética basada en polimorfismos.  
Aplicación de la PCR a tiempo real a la determinación de genotipos.  
Sistemas de *high throughput* para el análisis de polimorfismos genéticos.

**Prácticas:** Genotipado de DNA humano con 2 sondas Taqman.

#### **SEGUNDO DIA**

**Prácticas:** Genotipado con sondas TaqMan®: análisis de resultados.

**Práctica informática:** Búsqueda de variantes genéticas en bases de datos públicas.

Protocolos para el análisis de SNPs por PCR a tiempo real.

**Prácticas:** Genotipado con sondas de hibridación: preparación de reacciones y carrera.

**Prácticas:** Genotipado con sondas de hibridación: análisis de resultados.

#### **TERCER DIA**

Genotipado mediante HRM (Desnaturalización de Alta Resolución); (preparación y carrera).

Uso de técnicas de secuenciación para el análisis de variabilidad génica.

**Prácticas:** Genotipado mediante HRM (Desnaturalización de Alta Resolución); (análisis de resultados).